

RASTREANDO OS VÍRUS DO HIV E DA HEPATITE

Os vírus do HIV e da hepatite podem evoluir, produzindo diferentes cepas. Por isso, a Abbott tem o compromisso de realizar pesquisas contínuas para garantir que nossas tecnologias de diagnósticos acompanhem a evolução destes vírus. Há mais de 20 anos, a Abbott estabeleceu o Programa de Vigilância Global para monitorar e rastrear novas cepas virais ao redor do mundo.

CENTROS DE COLETA DE VIGILÂNCIA EM 40 PAÍSES, COBRINDO 6 CONTINENTES

Abbott, Illinois: o Programa de Vigilância Global da Abbott reúne mais de 60.000 amostras de vírus do HIV e da hepatite, o que faz deste um dos maiores acervos do mundo.¹



- Argentina
- Austrália
- Brasil
- Burundi
- Camarões
- China
- Colômbia
- República Democrática do Congo
- Croácia
- Egito
- Inglaterra
- Guiné Equatorial
- França
- Alemanha
- Gana
- Grécia
- Guiné-Bissau
- Haiti
- Honduras
- Índia
- Itália
- Costa do Marfim
- Quênia
- Laos
- México
- Nepal
- Nigéria
- Paquistão
- Filipinas
- Rússia
- Arábia Saudita
- Senegal
- África do Sul
- Espanha
- Tailândia
- Turquia
- Uganda
- EUA
- Venezuela
- Vietnã



A Abbott identificou e caracterizou mais de **5.000** cepas virais, possibilitando que testes diagnósticos detectem uma grande variedade de vírus do HIV e da hepatite.¹⁻²



A Abbott é uma das duas instituições do mundo que identificaram e caracterizaram os vírus raros do HIV dos grupos N e P.²⁻⁵



Quando uma nova cepa é descoberta, a Abbott confirma se nossos atuais testes de diagnósticos e de pesquisa no sangue são capazes de detectá-la e, então, os atualiza, conforme necessário.

¹. Abbott internal data. ². Brennan CA, Bodelle P, Coffey R, et al. HIV global surveillance: Foundation for retroviral discovery and assay development. *Journal of Medical Virology*. 2006; 78: S24-S29. ³. Rodgers M, Vallari A, Harris B, et al. Identification of rare HIV-1 Group N, HBV AE, and HTLV-3 strains in rural South Cameroon. *Virology*. 2017; 504: 141-51. ⁴. Rodgers M, Wilkinson E, Vallari A, et al. Sensitive next-generation sequencing method reveals deep genetic diversity of HIV-1 in the Democratic Republic of the Congo. *Journal of Virology*. 2017; 91: e01841-16.